



Maribor, 23. 5. 2023

Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

Poročilo št. 92

A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 12. 5. 2023 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 46.280 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC.

V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 po tednih v letu 2023.

Tabela 1. Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 med 2020 in 2023.

Leto	Teden	Število genomov
2020		557
2021		27.456
2022		16.961
2023		1306
	1	149
	2	96
	3	55
	4	51
	5	42
	6	41
	7	46
	8	63
	9	68
	10	88
	11	100
	12	110
	13	90
	14	68
	15	73
	16	77
	17	45
	18	29
	19	15
	Skupaj	46.280



B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 27. 4. do 12. 5. 2023

V zadnjem obdobju smo sekvencirali genomsko zaporedja 72 SARS-CoV-2 PCR-pozitivnih vzorcev, vsi iz sheme A. V vseh vzorcih smo potrdili različico omikron (Tabela 2).

Tabela 2. Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 27. 4. do 12. 5. 2023.

Različica virusa	Shema A
XBB	50
<i>XBB.1.9.1</i>	28
<i>EG.1</i>	11
<i>XBB.1.9.2</i>	4
<i>XBB.1.16</i>	4
<i>XBB.2.3</i>	1
<i>XBB.1.22.1</i>	1
<i>XBB.1.9</i>	1
XBB.1.5	16
<i>XBB.1.5</i>	7
<i>XBB.1.5.12</i>	3
<i>EU.1.1</i>	2
<i>XBB.1.5.7</i>	1
<i>XBB.1.5.33</i>	1
<i>XBB.1.5.24</i>	1
<i>XBB.1.5.13</i>	1
BA.2.75	4
<i>CH.1.1.17</i>	1
<i>CH.1.1.11</i>	1
<i>CH.1.1</i>	1
<i>CH.1.1.1</i>	1
BA.5	1
<i>BA.5.2.24</i>	1
BQ.1	1
<i>BQ.1.13.1</i>	1
Skupaj	72

C) Spremljanje pomembnih različic - analiza tekom celotnega obdobja sekvenciranja

Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča med VOC («Variants of Concern»), medtem ko se podrobneje spremlja linije BA.2.75, BQ.1 in rekombinantno linijo XBB ter nekatere njene hčerinske linije XBB.1.5, XBB.1.9.1, XBB.1.9.2 in XBB.1.16 (VOI, «Variants of Interest») (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>).

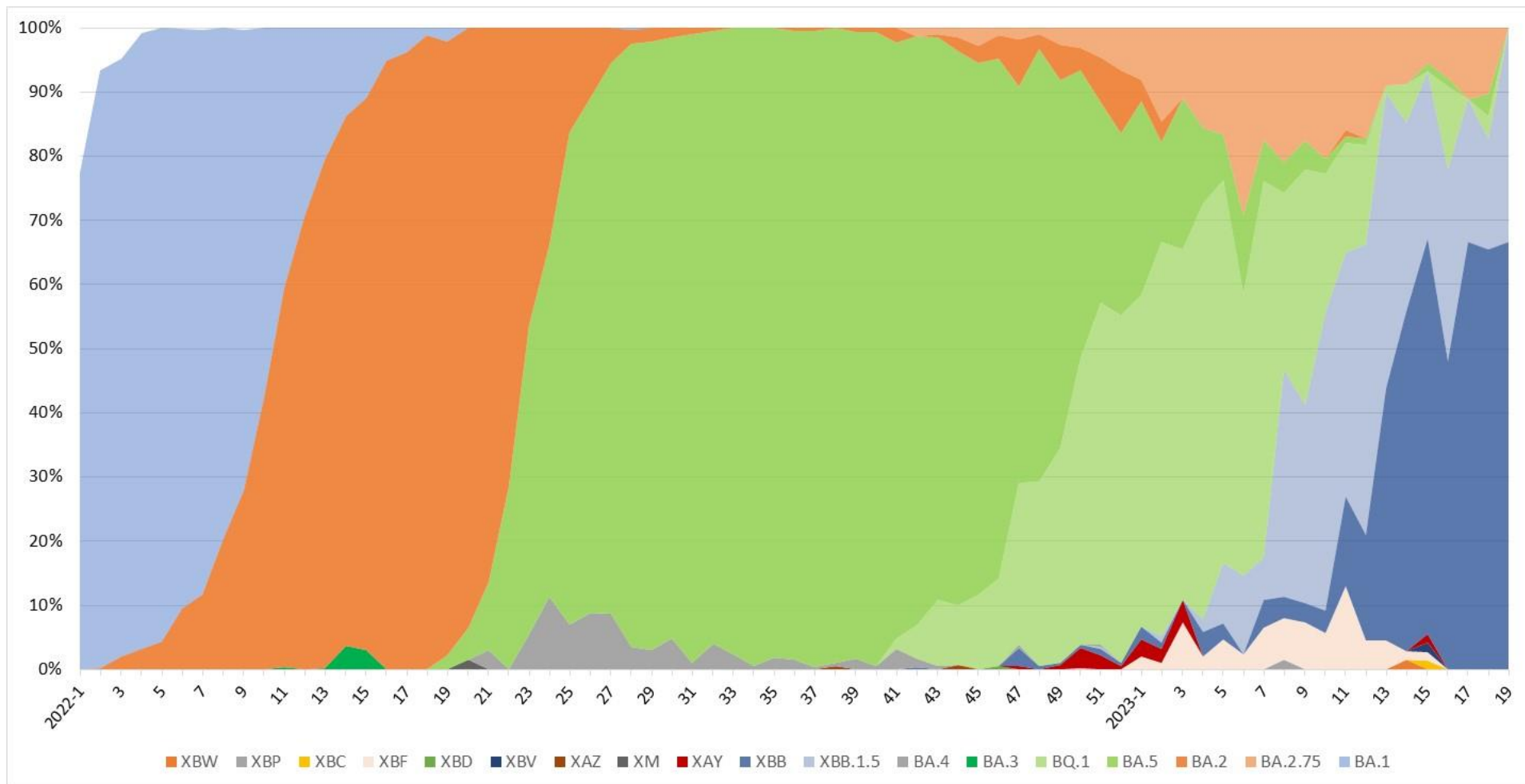
Tabela 3 prikazuje število potrebnih primerov različic, ki jih podrobneje spremljamo.



Tabela 3. Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status (ECDC)
BA.2.75	4	242	VOI
BQ.1	1	1115	VOI
XBB	50	276	VOI
<i>XBB.1.9.1</i>	28	156	VOI
<i>XBB.1.9.2</i>	4	27	VOI
<i>XBB.1.16</i>	4	5	VOI
XBB.1.5	16	310	VOI

Naraščanje pojavnosti podlinij različice omikron spremljamo na podlagi sheme A, za katero so deležne zastopanosti po tednih prikazane na grafu 1.



Graf 1. Deležna zastopanost različic virusa SARS-CoV-2 po tednih.