



Maribor, 4. 10. 2023

Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

Poročilo št. 96

A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 22. 9. 2023 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 46.577 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC.

V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 po tednih v letu 2023.

Tabela 1. Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 med 2020 in 2023.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov	
2020		557	2023	19	21	
2021		27.456		20	17	
2022		16.961		21	25	
2023		1603		22	23	
	1			149	23	14
	2			96	24	7
	3			55	25	9
	4			51	26	1
	5			42	27	13
	6			41	28	6
	7			46	29	4
	8			63	30	3
	9			68	31	4
	10			88	32	15
	11			100	33	17
	12			110	34	20
	13			90	35	12
	14			68	36	20
	15		73	37	34	
	16		77	38	46	
17	45		Skupaj	46.577		
18	30					



B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 21.8. do 22. 9. 2023

V zadnjem obdobju smo sekvencirali genomska zaporedja 140 SARS-CoV-2 PCR-pozitivnih vzorcev, vsi iz sheme A. V vseh vzorcih smo potrdili različico omikron (Tabela 2).

Tabela 2. Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 21. 8. do 22. 9. 2023.

Različica	Shema A	Različica	Shema A
EG.5.1.3	16	FL.1.5	2
EG.5.1.1	11	XBB.1.16.15	2
XBB.1.16	10	EG.5.1.6	2
EG.10.1	9	GJ.1.2	2
EG.5.1.4	9	FL.10.1	2
EG.5.1	8	FY.3	1
GE.1	6	FU.2.1	1
XBB.1.16.11	5	FU.1	1
EG.6.1	5	GS.1	1
XBB.1.42.1	5	GK.1.3	1
EL.1	5	FY.1.2	1
XBB.1.16.6	4	GG.1	1
HK.3	4	HN.1	1
XBB.2.3.11	3	XBB.1.41.1	1
FL.1.5.1	3	JA.1	1
FL.15	3	XBB.1.5.10	1
DV.7.1	3	FE.1.1	1
XBB.2.3	2	GK.2	1
FL.5	2	XBB.1.16.1	1
GK.1.1	2	FY.4.1	1
		Skupaj	140

C) Spremljanje pomembnih različic - analiza tekom celotnega obdobja sekvenciranja

Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča med VOC («Variants of Concern»), medtem ko se podrobneje spremlja linije BA.2.75, XBB.1.5-like in XBB.1.5-like+F456L (VOI, «Variants of Interest») (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>). (Tabela 3).

Tabela 3. Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status (ECDC)
BA.2.75	3	252	VOI
XBB.1.5-like	50	429	VOI
XBB.1.5-like+F456L	76	89	VOI