



Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

Poročilo št. 101

A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 03. 12. 2023 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 47.375 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC. V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023 in po tednih za leto 2023.

Tabela 1: Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov*
2020	vse	557	2023	23	14
2021	vse	27.456		24	7
2022	vse	16.961		25	9
2023	vse	2.401		26	1
	1	149		27	13
	2	96		28	6
	3	55		29	4
	4	51		30	3
	5	42		31	4
	6	41		32	15
	7	46		33	17
	8	63		34	20
	9	68		35	12
	10	88		36	20
	11	100		37	34
	12	110		38	50
	13	90		39	39
	14	68		40	38
	15	73		41	67
	16	77		42	44
	17	45		43	83
	18	30		44	54
	19	21		45	90
	20	17	46	140	
	21	25	47	122	
22	23	48	117		
			Skupaj vse		47.375

* Podatki za zadnjih nekaj tednov se lahko v prihodnje spremenijo zaradi obdelave več tednov starih vzorcev.



B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 27. 11. do 03. 12. 2023

V zadnjem obdobju smo sekvencirali genomska zaporedja 127 vzorcev SARS-CoV-2, ki so bili pozitivni na PCR, vsi iz sheme A. Različice virusa so prikazane v tabeli 2.

Tabela 2: Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 27. 11. do 03. 12. 2023.

Različica virusa	Število	Različica virusa	Število	Različica virusa	Število
JD.1.1	13	FL.15.1.1	2	GE.1.1	1
XBB.1.42.1	13	GE.1	2	GE.1.5	1
HK.3	8	GJ.1.2.4	2	GJ.1.2	1
HK.3.2	8	GK.1.5	2	GJ.1.2.1	1
JN.1	8	GS.4.1	2	HK.26	1
HV.1	7	JG.3	2	HK.27.1	1
XBB.1.16.11	7	JN.10	2	HV.1.5	1
BA.2.86.1	6	XBB.1.16.15	2	JG.3.1	1
HK.27.1.1	6	EG.5.1	1	JN.3	1
EG.5.1.3	4	EG.5.1.14	1	JN.4	1
EG.5.1.7	4	EG.5.1.4	1	XBB.1.16.6	1
HK.3.2.1	3	FL.1.5.1	1	XCW	1
JN.1.1	3	FL.15	1	Skupna vsota	127
XCH.1	3	FL.24	1		

C) Spremljanje pomembnih različic virusa

Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča v kategorijo VOC¹ (angl. *Variants of Concern*), medtem ko se podrobneje spremlja linije (in hčerinske linije) BA.2.75, XBB.1.5-like, XBB.1.5-like+F456L in BA.2.86 (VOI; angl. *Variant of Interest*) (Tabela 3).

Tabela 3: Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status ECDC ¹
BA.2.75	0	249	VOI
XBB.1.5-like	23	646	VOI
XBB.1.5-like + F456L	53	513	VOI
BA.2.86	21	68*	VOI

* Ponovna analiza starejših vzorcev

¹ Dostopno na spletni strani ECDC na povezavi: <https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>