



Ljubljana, 27. 12. 2023

Sledenje različicam SARS-CoV-2 v Nacionalnem laboratoriju za zdravje, okolje in hrano

Poročilo št. 103

A) Sekvenciranje zaporedij celotnih genomov virusa SARS-CoV-2

Od 1. 1. 2021 do 17. 12. 2023 smo s sekvenciranjem zaporedij celotnih genomov analizirali 47.611 vzorcev. Od tega je bilo 26.204 genomov sekvenciranih v sodelovanju s Kliničnim inštitutom za specialno laboratorijsko diagnostiko na Pediatrični kliniki Univerzitetnega kliničnega centra Ljubljana in 8.509 genomov v sodelovanju z ECDC. V tabeli 1 je podan pregled števila analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023 in po tednih za leto 2023. Na sliki 1 so prikazani deleži posameznih skupin različic virusa SARS-CoV-2 od leta 2021 dalje.

Tabela 1: Število analiziranih genomov virusa SARS-CoV-2 od 2020 do 2023.

Leto	Teden	Število genomov	Leto	Teden	Število genomov*
2020	vse	557	2023	24	7
2021	vse	27.456		25	9
2022	vse	16.961		26	1
2023	vse	2.637		27	13
	1	149		28	6
	2	96		29	4
	3	55		30	3
	4	51		31	4
	5	42		32	15
	6	41		33	17
	7	46		34	20
	8	63		35	12
	9	68		36	20
	10	88		37	34
	11	100		38	50
	12	110		39	39
	13	90		40	38
	14	68		41	67
	15	73		42	44
	16	77		43	83
	17	45		44	54
	18	30		45	90
	19	21		46	137
	20	17		47	122
	21	25		48	135
	22	23		49	137
	23	14		50	84
			Skupaj vse		47.611

* Podatki za zadnjih nekaj tednov se lahko v prihodnje spremenijo zaradi obdelave več tednov starih vzorcev.



B) Prisotnost in razporeditev različic virusa v obdobju od 11. 12. do 17. 12. 2023

V zadnjem obdobju smo uspešno sekvencirali genomska zaporedja 107 vzorcev SARS-CoV-2, ki so bili pozitivni na PCR, vsi iz sheme A. Različice virusa so prikazane v tabeli 2.

Tabela 2: Različice virusa SARS-CoV-2, potrjene v vzorcih odvzetih od 11. 12. do 17. 12. 2023.

Različica virusa	Število	Različica virusa	Število	Različica virusa	Število
JN.1	21	XBB.1.16.11	2	GS.4.1	1
EG.5.1.3	14	XCT.1	2	HK.11.1	1
JG.3	11	BA.2.86	1	HK.26.1	1
JD.1.1	9	EG.5	1	HK.27.1.1	1
EG.5.1.7	7	EG.5.1.16	1	HK.3.1	1
XBB.1.42.1	7	FL.15.1.1	1	JN.10	1
BA.2.86.1	4	FL.20.1	1	JN.3	1
HK.3	3	GA.4.1	1	JR.1.1	1
HV.1	3	GE.1.5	1	XBB.1	1
HK.26	2	GJ.1.2	1	XBB.1.16.15	1
JN.1.1	2	GS.1	1	XCH.1	1
				Skupna vsota	107

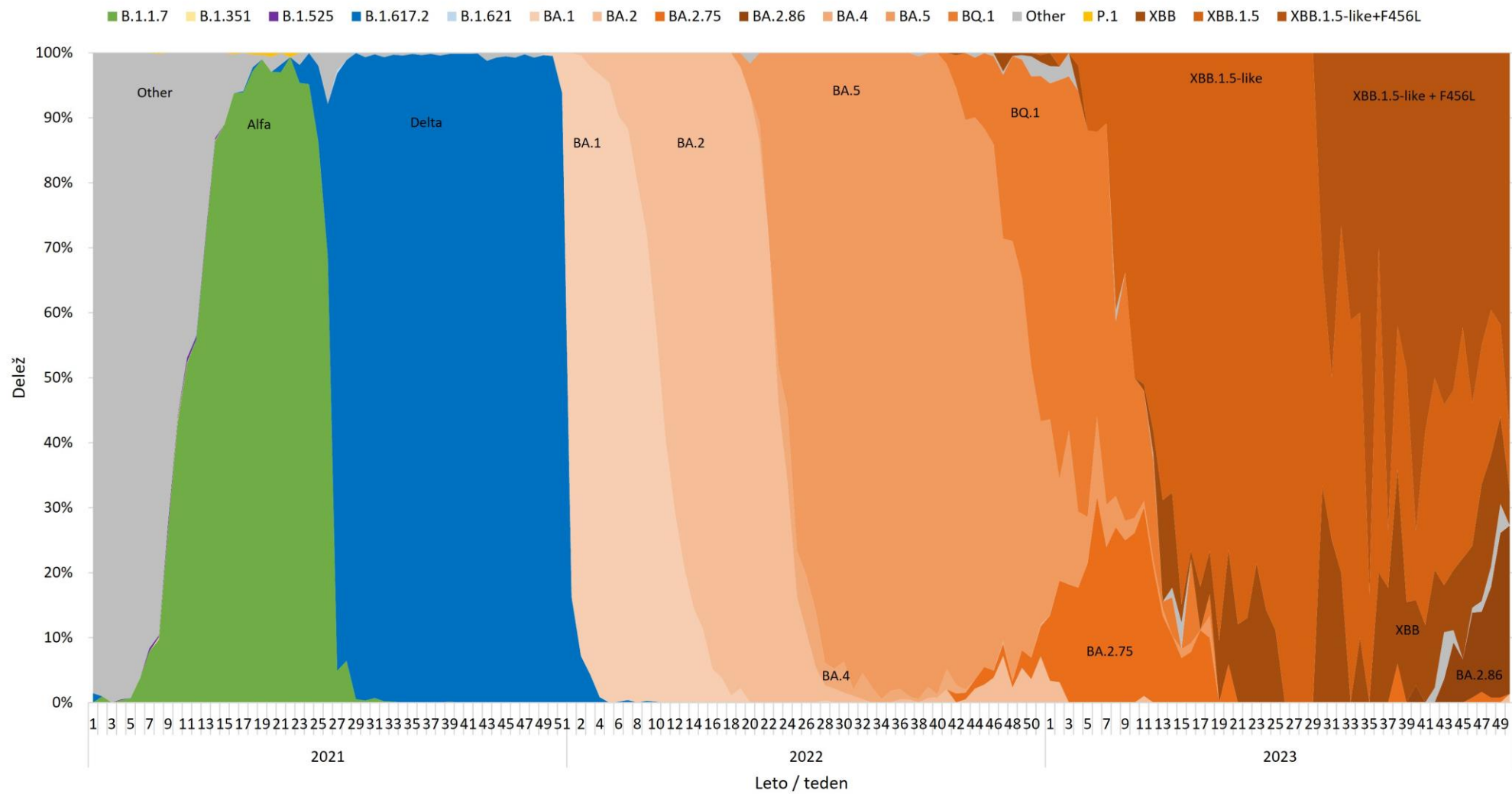
C) Spremljanje pomembnih različic virusa

Od 23. 3. 2023 ECDC nobene različice ne uvršča v kategorijo VOC¹ (angl. *Variants of Concern*), medtem ko se podrobneje spremlja linije (in hčerinske linije) BA.2.75, XBB.1.5-like, XBB.1.5-like+F456L in BA.2.86 (VOI; angl. *Variant of Interest*) (Tabela 3).

Tabela 3: Prikaz števila potrjenih primerov različic virusa SARS-CoV-2, ki jih podrobneje spremljamo.

Različica	Število potrjenih primerov (ta serija)	Skupaj potrjenih primerov	Status ECDC ¹
BA.2.75	0	251	VOI
BA.2.86	28	108	VOI
XBB.1.5-like	8	666	VOI
XBB.1.5-like + F456L	51	626	VOI

¹ Dostopno na spletni strani ECDC na povezavi: <https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>



Silka 1: delež skupin različic virusa SARS-CoV-2